

PABLO A. GOLOBOFF - CURRICULUM VITAE

DATOS GENERALES

- Nacido 5 de noviembre de 1962, Ciudad de Buenos Aires, Argentina. CUIL 23-16335532-9.
- Casado (contra Claudia A. Szumik, DNI 16560448, desde 2.V.1989). Hijas: Lucía Ana (21.IV.1993, pasap USA 7126155515) y Victoria Emilia (27.V.1998, DNI 41276001).
- Investigador Superior de la Carrera del Investigador Científico del Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas. Lugar de trabajo: Unidad Ejecutora Lillo, Fundación Miguel Lillo - CONICET, Miguel Lillo 251, 4000 S.M. Tucumán.
- Areas de investigación: Teoría y métodos cuantitativos de sistemática filogenética (incluyendo desarrollo de algoritmos especiales para análisis filogenético mediante programas de computadora). Biogeografía cuantitativa. Sistemática, filogenia y biología de arañas.

TITULOS

- 1989, Licenciado en Ciencias Biológicas, Facultad de Ciencias Exactas y Naturales de la Universidad de Buenos Aires, Argentina.
- 1994, Ph.D. en Entomology, Cornell University, New York, U.S.A.

ANTECEDENTES DOCENTES

Cursos sobre filogenia, cladística, y uso de programas de computadora para análisis filogenético, dictados en Argentina, Brasil, China, Colombia, Dinamarca, España, Estados Unidos, México, Perú, República Checa, Sudáfrica, Suecia, y Uruguay.

- Short course on “Foundations of phylogenetics” (*virtual*), organized by The Willi Hennig Society and the International Vertebrate Palaeontology and Palaeoanthropology of Beijing, China, 13 – 15 de Diciembre de 2021. Dictado junto con James Carpenter, María A. Gandolfo, Kevin Nixon, Christiane Weyrauch, and Ward Wheeler (Goloboff coordinador general). Se registraron alrededor de 800 alumnos.
- Workshop sobre uso de TNT (*virtual*), Organizado por Universidade Federal do Paraná, Brasil, dictado el 5–6 de Noviembre de 2020. Con asistencia de 20 alumnos.
- Curso sobre “*Phylogenetic Analysis: Foundations and Methods*”, workshop organizado por Willi Hennig Society y Transmitting Science, en Gothenburg Botanical Garden, **Suecia**, 22–25 de Agosto de 2019, de 30 hs. de duración, dictado junto con James Farris, Sebastian Kvist, Kevin Nixon, Mark Siddall, y Ward Wheeler (Goloboff coordinador general). Con asistencia de 25 alumnos.
- Curso sobre “*Workshop on Cladistics and Use of TNT*”, dictado en Beijing, **China**, Institute of Vertebrate Paleontology and Paleanthropology”, junto con Drs. Diego Pol y Michael Pittman, 26–28 Marzo 2018, de 24 hs. de duración. Con asistencia de 140 alumnos.
- Curso sobre “*Critical Phylogenetics*”, dictado en University of Helsinki, **Finlandia**, Facultad de Biological, Environmental and Food Sciences, junto con Ward Wheeler y Claudia Sumik, 16-17 Feb 2017. Con asistencia de 15 alumnos.

- Curso sobre "*Cladística: Métodos cuantitativos de clasificación y uso de TNT*", dictado en Els Hostalets de Pierola, organizado por Transmitting Science, Catalunya, **España**, del 29 Junio al 3 de Julio de 2015, de 40 hs. de duración. Con asistencia de 12 alumnos.
- Curso sobre "Cladística, TNT, y NDM/VNDM", dictado en Universidad Autónoma del Estado de Hidalgo, en Pachuca, **México**, del 12–16 de Enero de 2015, de 45 hs. de duración. Con asistencia de 20 alumnos.
- Curso sobre "*Cladística: Métodos cuantitativos de clasificación y uso de TNT*", dictado en Els Hostalets de Pierola, organizado por Transmitting Science, Catalunya, **España**, del 3–7 Junio de 2013, de 40 hs. de duración. Con asistencia de 13 alumnos.
- Curso sobre "*Cladística: Métodos cuantitativos de clasificación*", dictado en Universidad Agraria La Molina, Lima, **Perú**, organizado por CEBIO-Perú, 14–18 Enero 2013, de 40 hs. De duración. Con asistencia de 25 alumnos.
- Curso sobre "*NDM/VNDM/VIP: programas de computación para biogeografía, fundamentos y aplicaciones*". Curso dictado por C. Szumik, con colaboración de P. Goloboff, en Universidad Agraria La Molina, Lima, **Perú**, organizado por CEBIO-Perú, 21–23 Enero 2013, de 24 hs. De duración. Con asistencia de 25 alumnos.
- Curso sobre "*Cladística: Métodos cuantitativos de clasificación y uso de TNT*", dictado en el Museo de Ciencias Naturales de Madrid, **España**, del 1–5 Marzo de 2010, de 40 hs. de duración. Con asistencia de 22 alumnos.
- Profesor en el "*International Workshop of the Willi Hennig Society*", organizado por Willi Hennig Society, dictado 21-26 de Julio de 2008, Columbus, Ohio, **U.S.A.** (dictado junto con J. S. Farris, J. Wenzel, W. Wheeler, y L. Kubatko). Goloboff a cargo de 5 clases teóricas y 5 trabajos prácticos. Con asistencia de 20 alumnos.
- Profesor en el "*Workshop on The Theory and Practice of Phylogenetics*", Funded by The South African Biosystematics Initiative, The National Research Foundation, The Department of Science and Technology and The University of Cape Town, dictado del 4-8 de Febrero de 2008, Capetown, **South Africa** (dictado junto con James S. Farris). Con asistencia de 20 alumnos.
- Profesor en "*III International Workshop of the Willi Hennig Society*", organizado por Willi Hennig Society, dictado 16-20 de Julio de 2007, Columbus, Ohio, **U.S.A.** (dictado junto con K. Nixon, J. Wenzel, W. Wheeler, J. Freudenstein, y L. Kubatko). Goloboff a cargo de 5 clases teóricas y 5 trabajos prácticos. Con asistencia de 20 alumnos.
- Curso de Post-Grado sobre "*Cladística: Métodos cuantitativos de clasificación*", dictado en la Universidad Nacional de Colombia, Bogotá, **Colombia**. Dictado del 20 al 24 de Nov 2006, con participación de 18 alumnos.
- Profesor en "*II International Workshop of the Willi Hennig Society: Phylogenetics analysis: Theory and Practice*", organizado por la Willi Hennig Society, dictado 4-7 de Setiembre de 2006, Pruhonice, **Czech Republic** (dictado junto con J. Carpenter, K. Nixon, J. Wenzel, y W. Wheeler). Goloboff a cargo de 4 clases teóricas y 2 trabajos prácticos. Con asistencia de 30 alumnos.
- Profesor en "*Phylogenetics Symposium and Workshop*", dictado en Dic. 3-4, 2005, en Ohio State University, Columbus, **U.S.A.** (dictado junto con G. Giribet, W. Wheeler, K. Nixon, A. Kluge, y J. Farris). Goloboff a cargo de 2 clases teóricas y un trabajo práctico. Con asistencia de 90 alumnos.
- Workshop on TNT (40 hs.), dictado en Uppsala University, Uppsala, **Suecia**, 5-9 de Setiembre de 2005, con asistencia de 15 alumnos.

- Mini-curso (30 hs.) sobre el programa TNT, dictado en la Universidad de São Paulo, **Brasil**, para el Fórum de Sistemática e Evolução, 15-18 de Agosto de 2005, con asistencia de 30 alumnos.
 - Profesor invitado en el curso "*Phylogenetic systematics and historical biogeography*", (con dictado de 5 clases), dictado en la Universidad de Copenhagen, **Dinamarca**, Febrero 2003, con asistencia de 15 alumnos aproximadamente.
 - Dictado (2 oportunidades) de la materia de especialidad "*Cladística: Métodos cuantitativos de clasificación*", en la Carrera de Biología de la Facultad de Ciencias Naturales, Universidad Nacional de Tucumán, durante el 2º cuatrimestre de 2005, y 1º cuatrimestre de 2010.
 - Dictado (14 oportunidades) del curso de Post-Grado "*Cladística: Métodos cuantitativos de clasificación*," de 50 hs. aproximadamente, en:
 - Facultad de Ciencias Naturales - Universidad Nacional de Tucumán (1995, 25 alumnos; 1997, 15 alumnos; 2000, 15 alumnos; 2003, 30 alumnos; 2004, 30 alumnos; 2007, 40 alumnos; 2010, 36 alumnos; 2017, 35 alumnos; 2022, 20 alumnos).
 - Facultad de Ciencias Exactas y Naturales - Universidad de Buenos Aires (1996, 12 alumnos).
 - Facultad de Ciencias Naturales - Universidad de La Plata (2000, 30 alumnos).
 - Facultad de Ciencias Exactas Físicas y Naturales - Universidad de Córdoba (1999, 30 alumnos).
 - Universidad Nacional de Patagonia, Trelew (2006–30 alumnos).
 - Facultad de Ciencias Agrarias, Esperanza, Santa Fe (2009, 30 alumnos).
- Además, en 1992 se dictó el curso en FCEN - Universidad de Buenos Aires, como ayudante del Dr. Kevin C. Nixon (15 alumnos).
- Coordinación (en colaboración con V. Abdala y C. Szumik) y dictado de 2 clases ("*Optimización de caracteres*", y "*Búsquedas de árboles óptimos*"), en el curso de Posgrado "*Filogenias moleculares: Teoría y Práctica*", dictado por el Dr. Gonzalo Giribet (Harvard University), en la FCN, Universidad Nacional de Tucumán, 2003 (de 40 hs., con 30 alumnos).
 - Dictado de 4 talleres o mini-cursos sobre métodos cuantitativos en sistemática filogenética (de 8 a 12 hs. de duración), en Mar del Plata (IV Congreso Argentino de Entomología, 1998), Tucumán (I Reunion Argentina de Cladística y Biogeografía, 1997, y XI Reunión de Comunicaciones Herpetológicas, 11-13 Oct 1995), y Montevideo, Uruguay (I Encuentro de Aracnólogos del Cono Sur, 1997).
 - Tres clases (1997) en el seminario de "*Character coding*", dictado por Kevin C. Nixon, Cornell University ("*Sankoff Parsimony*", "*Character weighting in Phylogenetic Analysis*", y "*Measuring Group Support*"), y una clase (1993) en el "*Seminar in Evolution*", dictado por L. Marcus, en City University of New York ("*Character weighting*")

BECAS Y SUBSIDIOS

Como integrante de grupo de investigación

Participante de 4 subsidios de CONICET, Consejo de Ciencia y Técnica de la Prov. de Tucumán, y Consejo de Investigación de la Universidad Nacional de Tucumán, entre 1994-1995 (montos otorgados: 12.000, 20.949, 5.000 y 2.414 pesos; director: Dr. Abraham Willink).

Participante del Proyecto "Araneae–Tree of Life," de la National Science Foundation, U.S.A. (monto otorgado al proyecto: 2.700.000 U\$\$; director Ward C. Wheeler; monto correspondiente a P. Goloboff, 18.000 U\$\$).

Participante del Proyecto "Caracterización artropodológica de las Yungas Argentinas", PICT 12605 (monto otorgado: 225.000\$; director Mercedes L. de Grosso).

Como Investigador Responsable

1999, Subsidio PICT 98 de la Agencia Nacional de Promoción Científica y Tecnológica, para "Sistematica y Biodiversidad de la fauna Entomológica Argentina, con énfasis en el NOA, y su aplicación a los recursos naturales renovables" (proyecto No. 01-04347). Monto adjudicado (para 1999-2001): 118.000.

2008, Subsidio CONICET para Reuniones Científicas (Monto: 30.000, para financiar el 27 International Meeting of the Willi Hennig Society).

2008, Subsidio ANPCyT, para Reuniones Científicas (Monto: 9.600, para financiar el 27 International Meeting of the Willi Hennig Society).

2008, Subsidio PICT 07 de la Agencia Nacional de Promoción Científica y Tecnológica, para "Métodos computacionales en Filogenia y Biogeografía: desarrollos teóricos y aplicación práctica" (proyecto nro. PICT-2007-01314). Monto adjudicado (para 2008-2010): 190.163.

2011, Subsidio PIP de CONICET, para "Desarrollo de métodos en filogenia y biogeografía, y su aplicación a los artrópodos" (proyecto nro. 112 201101 00687). Monto adjudicado (para 2012–2014): 232.690.

2016, Subsidio PUE ("Proyecto de Unidad Ejecutora") de CONICET, para "Integrando estudios de filogenia y biogeografía" (proyecto PUE 0070). Monto adjudicado: 4.654.749.

2021, PIP 2021-2023 CONICET, para "Nuevos desarrollos en métodos de estudio de filogenia y biogeografía histórica", Proyecto 11220200102052CO. Monto adjudicado 1.810.000,00.

Personales

- 2002, gastos de viaje y estadía (por 1000 U\$\$), de la Comisión Organizadora del XXI International Meeting of the Willi Hennig Society, para participar del Meeting (Helsinki, 12-15 VIII 2002)
- 1998, gastos de viaje y estadía (por 700 U\$\$ aprox.), de la Comisión Organizadora del XVII International Meeting of the Willi Hennig Society, para participar del Meeting (San Pablo, 21-25 IX 1998).
- 1997, Subsidio para Investigación y Desarrollo (Proyectos de Estímulo a la Investigación, CONICET), para "Algoritmos para análisis filogenético por procesamiento en paralelo" (4234 U\$\$).
- Del Bailey Hortorium (Cornell University), gastos de viaje y estadía de 3 semanas (2500 U\$\$), para trabajar en algoritmos por procesamiento paralelo en Ithaca, New York.
- 1994, de Comisión Organizadora del XIII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, Naturhistoriska Riksmuseet (Stockholm), y Department of Systematic Botany, Uppsala University (Uppsala) (2500 U\$\$ aprox.), para asistir al XIII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, demostrar programas de computadora para análisis cladístico, y dar un seminario en Uppsala University.
- 1992, Conference Travel Grant, Graduate School, Cornell University (400 U\$\$), para financiar asistencia al XI Annual Meeting of the Willi Hennig Society). Moore Fund, del Bailey

Hortorium, Cornell University (1500 U\$\$, para visita a colección aracnológica del Museum National d'Histoire Naturelle de París).

- 1991, Griswold Fund, del Department of Entomology, Cornell University (300 U\$\$), para 1991 Annual Meeting of the American Arachnological Society.
- 1990, Research Travel Grant, de Graduate School-Cornell University (1300 U\$\$), y Griswold Fund, de Department of Entomology, Cornell University (500 U\$\$), para viaje de colecta Perú-Bolivia.
- 1989-1994, beca del American Museum of Natural History, Cornell-AMNH Graduate Training Program (financiamiento total provisto por AMNH: 60.000 U\$\$, incluyendo pago de 'tuition' en Cornell University).
- 1989, Beca Doctoral del Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas, Argentina (renuncia presentada en Julio 1989, para iniciar estudios en Cornell University).
- 1987-1989, Beca de Investigación para Estudiantes, Universidad de Buenos Aires.
- 1986, Collection Study Grant, del American Museum of Natural History (400 U\$\$).

CARGOS Y ANTECEDENTES LABORALES

- 1994, Ingreso a Carrera del Investigador Científico del CONICET (Adjunto con director; Director: Norman I. Platnick, co-Director: Abraham Willink). 1994-1997 Investigador Adjunto con Director; 1998-2007 Investigador Independiente; 2008-2018 Investigador Principal; 2018, Investigador Superior.
- Adscripto a Dirección de Zoología de la Fundación Miguel Lillo; Miembro del Consejo Directivo y Director de la línea de trabajo "Sistemática" del Instituto Superior de Entomología (Facultad de Ciencias Naturales, U.N.T.), hasta 2014.
- 1992, cargo temporario (2 meses) de Profesor Visitante, F.C.E.N., Universidad de Buenos Aires.
- 1989-1991, Graduate Research Assistant, Department of Entomology, Cornell University.
- 1988-1989, Ayudante de 2a, Area Sistemática y Morfología Animal, Depto. de Ciencias Biológicas, F.C.E.N., Universidad de Buenos Aires.
- 1984, Contratado como Técnico por el Museo Argentino de Ciencias Naturales, Sección Aracnología (7 meses).
- 1981-1982, suplente en el Museo Argentino de Ciencias Naturales, Sección Aracnología (10 meses).

ORGANIZACION DE CONGRESOS/SIMPOSIOS

- Organizador del Simposio "Methodological Problems", en el 35 International Meeting of the Willi Hennig Society, Buenos Aires, 4-8 Octubre 2016.
- Organizador del 27 International Meeting of the Willi Hennig Society and VIII Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, realizado en San Miguel de Tucumán, 28-31 de Octubre de 2008.
- Organizador del simposio "Problemas Metodológicos", en la VI Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, Trelew, 27-29 de Abril de 2006.

- Organizador del Simposio "Problemas metodológicos en el análisis de caracteres morfológicos", realizado en la V Reunion Argentina de Cladística y Biogeografía, Salta, 2-4 de Setiembre de 2004.
- Chairman del simposio "Epistemology and cladistics", en la XXIII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, Paris, Francia, 18-23 de Julio de 2004.
- Coordinador General del First International Workshop of the Willi Hennig Society, San Miguel de Tucumán, Argentina, 11-15 de Marzo de 2002.
- Organizador del Simposio sobre "Problemas de Metodologías", en la III Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, Mendoza, Argentina, 10-12 de Agosto de 2001.
- Presidente de la Comisión Organizadora de la Primera Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, San Miguel de Tucumán, Argentina, 19-21 de Noviembre de 1997.
- Chairman del simposio "Character Weighting," en el XVII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, Sao Paulo, Brasil, 21-25 de Septiembre de 1998.
- Organizador de la sesión "Computer Software," en el XVII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, Sao Paulo, Brasil, 21-25 de Setiembre de 1998

CONFERENCIAS/SEMINARIOS INVITADOS

- 2017, "*On model-based phylogenetic inference for the analysis of morphological data*". Seminario dictado en Viikki Plant Science Centre, University of Helsinki, **Finlandia**, 15 Feb 2017.
- 2009. "*Darwin y el arbol de la vida*". Dictada en el Simposio "Tribute to Darwin", de la XLV Reunión Anual de la Sociedad Argentina de Investigación en Bioquímica y Biología Molecular (SAIB), Tucumán, **Argentina**, 12 Noviembre 2009.
- 2009. "*Árboles de la vida: materializando el sueño de Darwin.*" Dictada en el Ciclo de Conferencias "Homenaje a Darwin", en la Facultad de Ciencias Naturales e Instituto Miguel Lillo, Tucumán, **Argentina**, 5 Junio 2009.
- 2007. "*Tree-search, consensus, and support calculation in large, ambiguous data sets.*" Seminario dictado en el Naturhistoriska riksmuseet, de Estocolmo, **Suecia**, 20 Septiembre 2007.
- 2005. "*NDM-VNDM: programas de computadora para identificar áreas de endemismo.*" Conferencia dictada en el Museo Argentino de Ciencias Naturales "Bernardino Rivadavia," Buenos Aires, **Argentina**, 22 Julio 2005.
- 2002. "*Super-trees: métodos para la construcción de superárboles.*" Facultad de Ciencias, Universidad Nacional de México, invitado por el Comité Mexicano de Sistemática y Biogeografía, **México**, Mayo 2002.
- 2001, "*Improving Computation of Large and Complex Data Sets.*" Seminar in George Washington University, Mayo 2001, Washington DC, **U.S.A.**
- 1998, "*Post-Hennigian Cladistics.*" Conferencia Invitada en el IX International Conference on Ephemeroptera, Tafi del Valle, Tucumán, **Argentina**.
- 1997, "*Phylogenetic Analysis under the Parsimony Criterion.*" charla en el Colloquium Series del Center for Applied Mathematics/Cornell Theory Center, Cornell University, New York, **U.S.A.**
- 1994, "*Searching most parsimonious trees efficiently.*" seminario en el Departamento de Botánica de la Universidad de Uppsala, **Suecia**.

- 1994, demostración de los programas de Computadora Pee-Wee y NONA, en el Naturhistoriska Riksmuseet, Stockholm, **Suecia**.
- 1993, "*Estimating character weights in phylogenetic analysis*", charla en el "Systematics Discussion Group" del American Museum of Natural History, New York, **U.S.A.**

RECONOCIMIENTOS

2023. **Premio Konex - Diploma al Mérito** Ciencias de la Información e Inteligencia Artificial, Argentina
2022. Nombrado **Académico Correspondiente** de la Academia Nacional de Ciencias de Córdoba, Argentina
(<https://www.anc-argentina.org.ar/es/institucional/academicos/academicos-correspondientes/>)
2009. **Fellow Honoris Causa** de la Willi Hennig Society (a la fecha, la sociedad cuenta con otros 3 fellows H.C.: Gareth Nelson, Kåre Bremer, y James S. Farris).
2005. **Ebbe Nielsen Award**, for Research in Biosystematics and Bioinformatics, otorgado por el GBIF (Global Biodiversity Information Facility, www.gbif.org).
1992. **Donn E. Rosen Award**, al mejor trabajo de estudiante presentado en el XI Annual Meeting de la Willi Hennig Society (**Francia**).
1991. **Donn E. Rosen Award**, al mejor trabajo de estudiante presentado en el X Annual Meeting de la Willi Hennig Society (**Canada**).

SOCIEDADES

Asociación Argentina de Ciencias Naturales (1981-1995); Sociedad Entomológica Argentina (desde 1983); American Arachnological Society (1984); New York Entomological Society (1989-1993); Willi Hennig Society (desde 1992).

SERVICIOS PRESTADOS A SOCIEDADES/INSTITUCIONES

- Director por Concurso de la Unidad Ejecutora del CONICET "Unidad Ejecutora Lillo", 2015-2019.
- Vice-Director del Instituto Superior de Entomología "Dr. Abraham Willink" (INSUE), de la Facultad de Ciencias Naturales de la Universidad Nacional de Tucumán, desde 2010 hasta 2014.
- Miembro de la **Comisión Asesora** de Biología del CONICET, 2008, 2011.
- Miembro de la **Comisión Ad Hoc** de Biología Organísmica, para PICT 2006-2009, FONCyT, 6-7 de Octubre de 2005.
- **Willi Hennig Society: Presidente** (2004-2006); **Fellow member** (desde 1992); **Council member** (1996-1998, 2000-2002, 2013-2015, 2018-2020).
- **Research Associate** del **American Museum of Natural History** (New York), desde 2004.
- Miembro del **Advisory Board** de la revista **Cladistics** (de 1995 a 2004).
- Miembro del **Nominating Committee for Councils** of the **Willi Hennig Society** (1998, 2002).
- Miembro del **Consejo de Asesores Editoriales** del **Boletín de la Sociedad Argentina de Botánica** (desde 2001).

- **Editor Asociado** de la Revista de la **Sociedad Entomológica Argentina** (Marzo a Octubre, 1998).
- Miembro del **Consejo Editorial** de la revista **Kurtziana** (desde 1999).
- Miembro del **Consejo Editorial** de la revista **Entomotropica** (antes, "Entomologica Venezuelica") (desde 2000).
- Participante invitado del workshop on "**Assembling the Tree of Life: Research Needs on Phylogenetics and Phyloinformatics**" (llevado a cabo en Yale, U.S.A., Julio 2000, sponsored by the **National Science Foundation**; ver en sitio web cbc.amnh.org/acrobat/tol_workshop_report.pdf).
- Miembro de **Comisión Ad Hoc (CONICET)** de Biología para evaluación de Ingresos a Carrera (2001); **Comisión Ad Hoc** de Biología para evaluación de solicitudes de Proyectos de Investigación Plurianuales (2000); **Comisión Ad Hoc** para evaluación de Promociones a Clase Superior (2020, 2021).
- Actuación como **Revisor Externo** de solicitudes de ingreso a carrera, promoción, y becas postdoctorales del **CONICET** (1997-2004).
- **Evaluador externo** de solicitudes de subsidios para la **Agencia Nacional de Promoción Científica y Tecnológica** (1999, 2003, 2004).
- **Evaluador externo** de la Comisión Sectorial de Investigación Científica (Uruguay), para proyectos de dedicación total en la **Universidad de la República, Uruguay** (2001).
- **Evaluador externo** de proyectos de **National Science Foundation** (U.S.A.), Program NSF 01-2, DEB Systematic Biology (2001, 2012).
- **Jurado** del "**Premio Argentino de Entomología**" (área Morfología y Sistemática), otorgado por la Sociedad Argentina de Entomología, 2001.
- Actuación como **revisor** de trabajos enviados a publicar en **American Museum Novitates, Bioinformatics, BioMed Central (Evolutionary Biology), Bulletin of the American Museum of Natural History, Cladistics, Cuadernos Herpetológicos, Darwiniana, Evolution and Development, Journal of Arachnology, Journal of Biogeography, Journal of Comparative Biology, Journal of the New York Entomological Society, Journal of Theoretical Biology, Memoirs of the Queensland Museum, Molecular Biology and Evolution, Molecular Phylogenetics and Evolution, PeerJ, Physis, PlosOne, Revista Brasileira de Entomologia, Revista de la Sociedad Entomológica Argentina, Systematic Biology, Zoologica Scripta, Zootaxa.**

TRABAJOS CIENTIFICOS

(Google Scholar en https://scholar.google.com.ar/citations?user=_8Gs8_IAAAAJ&hl=en)

Publicados o en prensa:

- (100) 2023. Simmons, M., Goloboff, P., Stöver, B., Springer, M., & Gatesy, J. Quantification of congruence among gene trees with polytomies using overall success of resolution for phylogenomic coalescent analyses. **Cladistics** (in press) (10.1111/cla.12540).
- (99) 2023. Goloboff, P., & Morales, M. TNT version 1.6, with a graphical interface for MacOs and Linux, including new routines in parallel. **Cladistics** 39, 144–153 (10.1111/cla.12524)

- (98) 2023. Morales, M., & Goloboff, P. New TNT routines for parallel computing with MPI. **Molecular Phylogenetics and Evolution** 178, 107543 (10.1016/j.ympev.2022.107643).
- (97) 2022. De Narváez, J., Szumik, C., Goloboff, P., & Lohmann, L. Unravelling distribution patterns of Neotropical lianas: an analysis of endemism of tribe Bignoniaceae (Bignoniaceae). **Botanical Journal of the Linnean Society** 199, 470–495.
- (96) 2021. Ríos-Tamayo, D., Engelbrecht, I., & Goloboff, P. A Revision of the Genus *Hermacha* Simon, 1889 (Mygalomorphae: Entypesidae), in Southern Africa with Revalidation of *Hermachola* Hewitt, 1915, and *Brachytheliscus* Pocock, 1902. **American Museum Novitates** 3977, 1–80 (10.1206/3977.1).
- (95) 2021. Goloboff, P., & Sereno, P. Comparative cladistics: Identifying the sources for differing phylogenetic results between competing morphology-based datasets. **Journal of Systematic Paleontology** 19, 761–786 (10.1080/14772019.2021.1970038).
- (94) 2021. Fischer, W., Giorgi, E., Chakraborty, S., Nguyen, K., Bhattachary, T., Theiler, J., Goloboff, P., Yoon, H., Abfalterer, W., Foley, B., Tegally, H., San, J., Oliveira, T., Network for Genomic Surveillance in South Africa (NGS-SA), Gnanakaran, S., & Korber, B. HIV-1 and SARS-CoV-2: Patterns in the evolution of two pandemic pathogens. **Cell Host and Microbe** (10.1016/j.chom.2021.05.012)
- (93) 2021. Goloboff, P., Catalano, S., & Torres, A. Parsimony analysis of phylogenomic datasets (II): Evaluation of PAUP*, MEGA, and MPBoot. **Cladistics** 38, 126–146, (10.1111/cla.12476).
- (92) 2021. Torres, A., Goloboff, P., & Catalano, S. Parsimony analysis of phylogenomic datasets (I): scripts and guidelines for using TNT. **Cladistics** 38, 103–125 (10.1111/cla.12477).
- (91) 2021. Goloboff, P., De Laet, J., Ríos-Tamayo, D., & Szumik, C. A reconsideration of inapplicable characters, and an approximation with step-matrix recoding. **Cladistics** 37, 596–629 (10.1111/cla.12456).
- (90) 2021. Torres, A., Catalano, S., & Goloboff, P. Assessing topological congruence among concatenation-based phylogenomic approaches in empirical datasets. **Molecular Phylogenetics and Evolution** 161, 107086 (10.1016/j.ympev.2021.107086).
- (89) 2021. Giannini, N., & Goloboff, P. DUALCOR: a phylogenetic comparative method to evaluate phylogenetic correlation between a character and a non-evolving external variable. **Cladistics** 37, 586–595 (10.1111/cla.12450).
- (88) 2020. Liria, J., Szumik, C., & Goloboff, P. Analysis of endemism of world arthropod distribution data supports biogeographic regions and many established subdivisions. **Cladistics** 37, 559–570 (10.1111/cla.12448).
- (87) 2020. Pol, D., & Goloboff, P. The impact of unstable taxa in Coelurosaurian phylogeny and resampling support measures for parsimony analysis. In Pittman, M., and Xu, X. (eds.), Pennaraptoran Theropod dinosaurs: Past progress and new frontiers. **Bulletin of the American Museum of Natural History** 440, 97–115 (URL <http://digitallibrary.amnh.org/handle/2246/7237>).
- (86) 2020. Pei, R., Pittman, M., Goloboff, P., Dececchi, T., Habib, M., Kaye, T., Larsson, H., Norell, M., Brusatte, S. & Xu, X. Potential for powered flight neared by most close avialan relatives but few crossed its thresholds. **Current Biology** 30, 1–4 (10.1016/j.cub.2020.06.105)
- (85) 2020. Goloboff, P., & Morales, M. A phylogenetic C interpreter for TNT. **Bioinformatics** 36, 3988–3995 (10.1093/bioinformatics/btaa214)

- (84) 2019. Ferretti, N., Ríos-Tamayo, D., & Goloboff, P. 2019. Four new species of *Goloboffia* (Mygalomorphae: Migidae) from Chile. **Zootaxa** 4712, 251–268 (10.11646/zootaxa.4712.2.5)
- (83) 2019. Szumik, C., Juárez, M., Ramírez, M., Goloboff, P., & Pereyra, V. Implications of the Tympanal Hearing Organ and Ultrastructure of Chaetotaxy for the Higher Classification of Embioptera. **American Museum Novitates** 3933, 1–32 (URL <http://digitallibrary.amnh.org/handle/2246/6955>)
- (82) 2019. Goloboff, P., & Arias, J.S. Likelihood approximations of implied weights parsimony can be selected over the Mk model by the Akaike information criterion. **Cladistics** 35, 691 – 716 (10.1111/cla.12380)
- (81) 2019. Casagrande, D., & Goloboff, P. On stability measures and effects of data structure in the recognition of areas of endemism. **Biological Journal of the Linnean Society** 127, 143–155 (10.1093/biolinnean/blz019)
- (80) 2018. Goloboff, P., M. Pittman, D. Pol, & X. Xu. Morphological data sets fit a Common Mechanism much more poorly than DNA sequences and call into question the Mkv model. **Systematic Biology** 68, 494–504 (10.1093/sysbio/syy077)
- (79) 2018. Ríos-Tamayo, D., & Goloboff, P. Taxonomic revision and morphology of the trapdoor spider genus *Actinopus* (Mygalomorphae, Actinopodidae) in Argentina. **Bulletin of the American Museum of Natural History** 419, 1–83 (URL <http://digitallibrary.amnh.org/handle/2246/6853>)
- (78) 2018. Goloboff, P., Torres, A., & Arias, J. S. Parsimony and model-based phylogenetic methods for morphological data: a response to O'Reilly et al. (2017). **Palaeontology** 61, 625–630 (10.1111/pala.12353)
- (77) 2018. Goloboff, P., & M. Wilkinson. On Defining a Unique Phylogenetic Tree with Homoplastic Characters. **Molecular Phylogenetics and Evolution** 122, 95–101 (10.1016/j.ympev.2018.01.020)
- (76) 2017. Goloboff, P., Torres, A., & Arias, J. S. Weighted parsimony outperforms other methods of phylogenetic inference under models appropriate for morphology. **Cladistics** 34, 407–437 (10.1111/cla.12205)
- (75) 2017. Ríos Tamayo, D., & Goloboff, P. *Vilchura calderoni*, a new genus and species of Euagrinae (Araneae: Mygalomorphae: Dipluridae) from Chile. **Arachnology** 17, 183-187 (10.13156/arac.2017.17.4.183)
- (74) 2016. Bertelli, S., Szumik, C., Goloboff, P., Giannini, N., Navarro-Sigüenza, A., Peterson, A., & Cracraft, J. Mexican land birds reveal complexity in fine-scale patterns of endemism. **Journal of Biogeography** 44, 1836–1846 (10.1111/jbi.12987)
- (73) 2016. Goloboff, P., Arias, J., & Szumik, C. 2016. Comparing tree-shapes: beyond symmetry. **Zoologica Scripta** 46, 637–648 (10.1111/zsc.12231)
- (72) 2016. Wheeler, W., Coddington, J., Crowley, L., Dimitrov, D., Goloboff, P., Griswold, C., Hormiga, G., Prendini, L., Ramirez, M., Sierwald, P., Almeida-Silva, L., Alvarez-Padilla, F., Arnedo, M., Benavides Silva, L., Benjamin, S., Bond, J., Grismado, C., Hasan, E., Hedin, M., Izquierdo, M., Labarque, F., Ledford, J., Lopardo, L., Maddison, W., Miller, J., Piacentini, L., Platnick, N., Polotow, D., Silva-Davila, D., Scharff, N., Szűts, T., Ubick, D., Vink, C., Wood, H., & Zhang, J. The spider tree of life: Phylogeny of Araneae based on target-gene analyses from an extensive taxon sampling. **Cladistics** 33, 574–616 (10.1111/cla.12182)
- (71) 2016. Goloboff, P., & S. Catalano. TNT version 1.5, including a full implementation of geometric morphometrics. **Cladistics** 32: 221–238. (ISSN 0748-3007). (10.1111/cla.12160)

- (70) 2016. Goloboff, P., & C. Szumik. Problems with Supertrees Based on the Subtree Prune-and-Regraft Distance, with Comments on Majority Rule Supertrees. **Cladistics** 32: 82–89. (ISSN 0748-3007) (10.1111/cla.12111)
- (69) 2015. Goloboff, P. & C. Szumik. Identifying unstable taxa: Efficient implementation of triplet-based measures of stability, and comparison with Phyutility and RogueNaRok. **Molecular Phylogenetics & Evolution** 88: 93–104 (10.1016/j.ympev.2015.04.003)
- (68) 2015. Szumik, C. & P. Goloboff. Higher taxa and the identification of areas of endemism. **Cladistics** 31: 568–572. (ISSN 0748-3007) (10.1111/cla.12112)
- (67) 2014. Goloboff, P., & M. Simmons. Bias in tree searches and its consequences for measuring groups supports. **Systematic Biology** 63: 851–861 (10.1093/sysbio/syu051)
- (66) 2014. Goloboff, P. Hide and vanish: data sets where the most parsimonious tree is known but hard to find, and their implications for tree search methods. **Molecular Phylogenetics & Evolution** 79: 118–131 (10.1016/j.ympev.2014.06.008)
- (65) 2014. Simmons, M., & P. Goloboff. Dubious resolution and support from published sparse supermatrices: the importance of thorough tree searches. **Molecular Phylogenetics & Evolution** 78: 334–348 (10.1016/j.ympev.2014.06.002)
- (64) 2014. Goloboff, P. Computer science and parsimony: a reappraisal, with discussion of methods for poorly structured data sets. **Cladistics** 31, 210 – 225. (ISSN 0748-3007) (10.1111/cla.12082)
- (63) 2013. Goloboff, P. Oblong, a program to analyze phylogenomic data sets with millions of characters, requiring negligible amounts of RAM. **Cladistics** 30: 273–281. (ISSN 0748-3007) (10.1111/cla.12056)
- (62) 2013. Goloboff, P. Extended implied weighting. **Cladistics**. 30: 260–272. (ISSN 0748-3007) (10.1111/cla.12047)
- (61) 2013. Aagesen, L., Szumik, C., & Goloboff, P. Consensus in the search for Areas of Endemism. **Journal of Biogeography** 40, 2011–2016 (10.1111/jbi.12172)
- (60) 2013. Simmons, M., & Goloboff, P. An artifact caused by undersampling optimal trees in supermatrix analyses of locally sampled characters. **Molecular Phylogenetics & Evolution** 69, 265–275 (ISSN 1055-7903) (10.1016/j.ympev.2013.06.001)
- (59) 2012. Ríos Tamayo, D., & Goloboff, P. 2012. New species of Chilean Hexathelidae (Araneae, Mygalomorphae). **Zootaxa** 3422, 32–51. (ISSN 1175-5326) (10.11646/zootaxa.3422.1)
- (58) 2012. Goloboff, P., & S. Catalano. GB-to-TNT: facilitating creation of matrices from GenBank and diagnosis of results in TNT. **Cladistics** 28, 503–513. (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.2012.00400.x)
- (57) 2012. C. Szumik, L. Aagesen, D. Casagrande, V. Arzamendia, D. Baldo, L. Claps, F. Cuzzo, J. M. Díaz Gómez, A. Di Giacomo, A. Giraud, P. Goloboff, C. Gramajo, C. Kopuchian, S. Kretschmar, M. Lizarralde, A. Molina, M. Mollerach, F. Navarro, S. Nomdedeu, A. Panizza, V. Pereyra, M. Sandoval, G. Scrocchi & F. Zuloaga. Detecting areas of endemism with a taxonomically diverse data set: plants, mammals, reptiles, amphibians, birds, and insects from Argentina. **Cladistics** 28, 317–329. (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.2011.00385.x)
- (56) 2012. Catalano, S., & P. Goloboff. Simultaneously Mapping and Superimposing Landmark Configurations with Parsimony as Optimality Criterion. **Systematic Biology** 61: 392–400 (ISSN 1063-5157) (10.1093/sysbio/syr119)

- (55) 2011. Arias, S., Szumik, C., & Goloboff, P. Spatial Analysis of Vicariance: A method for using direct geographical information in historical biogeography. **Cladistics** 27, 617–628 (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.2011.00353.x)
- (54) 2011. Goloboff, P., & S.A. Catalano. Phylogenetic morphometrics (II): Algorithms for landmark optimization. **Cladistics** 27: 42–51 (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.2010.00318.x)
- (53) 2010c. Catalano, S.A., P. Goloboff, & N. Giannini. Phylogenetic morphometrics (I): the use of landmark data in a phylogenetic framework. **Cladistics** 26: 539–549 (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.2010.00302.x)
- (52) 2010b. Giannini, N., & P. Goloboff. Delayed-response phylogenetic correlation, an optimization-based method to test covariation of continuous characters. **Evolution** 64: 1885–1898 (ISSN 0014-3820) (10.1111/j.1558-5646.2010.00956.x)
- (51) 2010a. Szumik, Claudia, & P. Goloboff. A summit of cladistics: abstracts of the 27th Annual Meeting of the Willi Hennig Society and VIII Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía. **Cladistics** 26: 202–226 (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1469-0691.2009.00285.x)
- (50) 2009c. Navarro, F., F., Cuezco, P. Goloboff, C. Szumik, M. L. de Grosso, & M. Quintana. Can insect data be used to infer areas of endemism? An example from the Yungas of Argentina. **Revista Chilena de Historia Natural** 82: 507–522 (10.4067/S0716-078X2009000400006)
- (49) 2009b. Casagrande, D., J. S. Arias, P. A. Goloboff, C. Szumik, L. Taher, T. Escalante, & J. J. Morrone. Proximity, interpenetration, and sympatry networks: a reply to Dos Santos et al. **Systematic Biology** 58: 271–276 (ISSN 1063-5157) (10.1093/sysbio/syp022)
- (48) 2009a. Goloboff, P., S. Catalano, M. Mirande, C. Szumik, J. S. Arias, M. Källersjö, & J. S. Farris. Phylogenetic analysis of 73,060 taxa supports major evolutionary groups. **Cladistics** 25: 211–230. (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.2009.00255.x)
- (47) 2008c. Farris, J., & P. Goloboff. Is REP a measure of "objective support"? **Cladistics** 24: 1065–1069. (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.2008.00238.x)
- (46) 2008b. Goloboff, P., J. Farris, & K. Nixon. 2008. TNT, a free program for phylogenetic analysis. **Cladistics** 24: 774–786 (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.2008.00217.x)
- (45) 2008a. Goloboff, P., J. Carpenter, J. S. Arias, & D. Miranda-Esquivel. Weighting against homoplasy improves phylogenetic analysis of morphological data sets. **Cladistics** 24:758–773. (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.2008.00209.x)
- (44) 2007c. Goloboff, P. Calculating SPR-distances between trees. **Cladistics** 24: 591–597. (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.2007.00189.x)
- (43) 2007b. Goloboff, P., & D. Pol. On divide-and-conquer strategies for parsimony analysis of large data sets: rec-i-dcm3 vs. TNT. **Systematic Biology** 56:485–495 (ISSN 1063-5157) (10.1080/10635150701431905)
- (42) 2007a. Janies, D., P. Goloboff, & D. Pol. Large-Scale Phylogenetic Analysis for the Study of Zoonosis and Assessment of Influenza Surveillance. **Scalable Computing: Practice and Experience** 8: 143–146 (ISSN 1895-1767). (URL <https://www.scpe.org/index.php/scpe/article/view/406>)
- (41) 2006b. Grismado, C., & P. Goloboff. Descripción del macho de *Missulena tussulena* Goloboff 1994 (Araneae, Mygalomorphae, Actinopodidae). **Rev. Mus. Argentino Cienc. Nat.**, n.s., 8:101-104 (ISSN 1514-5158) (URL <http://revista.macn.gob.ar/ojs/index.php/RevMus/article/view/355/339>)

- (40) 2006a. P. Goloboff, C. Mattoni, & S. Quinteros. Continuous characters analyzed as such. **Cladistics** 22:589-601 (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.2006.00122.x)
- (39) 2005. P. Goloboff. Minority rule supertrees? MRP, compatibility, and Minimum Flip supertrees may display the least frequent groups. **Cladistics** 21:282-294. (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.2005.00064.x)
- (38) 2004. Szumik, C., & P. Goloboff. Areas of endemism: improved optimality criteria. **Systematic Biology** 53:968-977 (ISSN 1063-5157) (10.1080/10635150490888859)
- (37) 2003b. P. Goloboff, J. Farris, M. Källersjö, B. Oxelmann, M. Ramírez, & C. Szumik. Improvements to resampling measures of group support. **Cladistics** 19:324-332. (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.2003.tb00376.x)
- (36) 2003a. P. Goloboff. Parsimony, likelihood, and simplicity. **Cladistics** 19:91-103. (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.2003.tb00297.x)
- (35) 2002. Bertelli, S., N. Giannini, & P. Goloboff. a Phylogeny of the Tinamous (Aves, Palaeognathiformes) based on Integumentary Characters. **Systematic Biology** 51:959-979 (ISSN 1063-5157) (10.1080/10635150290156006)
- (34) 2002. Szumik, C., F. Cuzzo, P. Goloboff, & A. Chalup. An optimality criterion to determine areas of endemism. **Systematic Biology** 51:806-816 (ISSN 1063-5157) (10.1080/10635150290102483)
- (33) 2002. P. Goloboff, & D. Pol. Semi-Strict Supertrees. **Cladistics** 18:514-525. (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.2002.tb00289.x)
- (32) 2002. Ebermann, E., & P. Goloboff. Association between neotropical burrowing spiders (Araneae:Nemesiidae) and mites (Acari:Heterostigmata, Scutacarida). **Acarologia** XLII,1:173-184. (ISSN 0044-586X) (URL <http://www1.montpellier.inra.fr/CBGP/acarologia/article.php?id=1847>)
- (31) 2002. P. Goloboff. Optimization of polytomies: state set and parallel operations. **Molecular Phylogenetics and Evolution** 22:269-275. (ISSN 1055-7903) (10.1006/mpev.2001.1049)
- (30) 2001b. P. Goloboff, & J. S. Farris. Methods for quick consensus estimation. **Cladistics** 17:S26-S34. (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.2001.tb00102.x)
- (29) 2000b. P. Goloboff. The family Gallienielidae (Araneae, Gnaphosoidea) in America. **Journal of Arachnology** 28:1-6. (ISSN 0160-8202) (URL http://www.americanarachnology.org/JoA_tocs/JOA_contents_v28n1.html)
- (28) 1999a. P. Goloboff. Analyzing large data sets in reasonable times: solutions for composite optima. **Cladistics** 15:415-428 (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.1999.tb00278.x)
- (27) 1998b. P. Goloboff. Tree searches under Sankoff parsimony. **Cladistics** 14:229-237. (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.1998.tb00336.x)
- (26) 1998a. Carpenter, J. M., P. Goloboff, & J. S. Farris. PTP is meaningless, T-PTP is contradictory: a Reply to Trueman. **Cladistics** 14:105-116 (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.1998.tb00206.x)
- (25) 1997. P. Goloboff. Self-weighted optimization: character state reconstructions and tree searches under implied transformation costs. **Cladistics** 13:225-245 (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.1997.tb00317.x)
- (24) 1996c. P. Goloboff. Methods for faster parsimony analysis. **Cladistics** 12:199-220. (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.1996.tb00009.x)

- (23) 1996b. Farris, J., M. Källersjö, V. Albert, M. Allard, A. Anderberg, B. Bowditch, C. Bult, J. Carpenter, T. Crowe, J. de Laet, K. Fitzhugh, D. Frost, P. Goloboff, C. Humphries, U. Jondelius, D. Judd, P. Karis, D. Lipscomb, M. Luckow, D. Mindell, J. Muona, K. Nixon, W. Presch, O. Seberg, M. Siddall, L. Struwe, A. Tehler, J. Wenzel, Q. Wheeler, & W. Wheeler. Explanation. **Cladistics** 11:211-218. (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.1995.tb00086.x)
- (22) 1996a. Galiano, M., & P. Goloboff. The postembryonic development of *Actinopus* cf. *insignis* and *Diplura paraguayensis* (Araneae, Mygalomorphae). **Bulletin of the British Arachnological Society** 10:121-126. (ISSN 0524-4994) (URL <http://britishspiders.org.uk/bulletin/100403.pdf>)
- (21) 1995b. P. Goloboff. Parsimony and weighting: a reply to Turner and Zandee. **Cladistics** 10:91-104. (ISSN 0748-3007) (10.1111/j.1096-0031.1995.tb00006.x)
- (20) 1995a. P. Goloboff. A revision of the South American Spiders of the family Nemesiidae (Araneae, Mygalomorphae). Part I: Species from Peru, Chile, Argentina, and Uruguay. **Bulletin of the American Museum of Natural History** 224:1-189. (ISSN: 0003-0090) (URL <http://hdl.handle.net/2246/1624>)
- (19) 1994b. P. Goloboff. Migoidea de Chile, nuevas o poco conocidas (Araneae, Mygalomorphae). **Revista de la Sociedad Entomológica Argentina** 53:65-74. (ISSN 0373-5680)
- (18) 1994a. P. Goloboff. *Linothele cavicola*, a new diplurine spider (Araneae, Dipluridae) from caves in Ecuador. **Jornal of Arachnology** 22:70-72. (ISSN 0160-8202)
- (17) 1993c. P. Goloboff. Character optimization and calculation of tree lengths. **Cladistics** 9:433-436. (ISSN 0748-3007)
- (16) 1993b. P. Goloboff. A reanalysis of Mygalomorph spider families. **American Museum Novitates** No. 3056:1-32. (ISSN 0003-0082).
- (15) 1993a. P. Goloboff. Estimating character weights during tree search. **Cladistics** 9:83-91. (ISSN 0748-3007)
- (14) 1992. P. Goloboff & N. Platnick. New spiders of the Mygalomorph genus *Neocteniza* (Araneae, Mygalomorphae). **American Museum Novitates** No. 3054:1-9 (ISSN 0003-0082).
- (13) 1991d. P. Goloboff & M. Ramírez. A new species of *Drymusa* (Araneae, Scytodoidea) from Argentina. **Journal of the New York Entomological Society** 99:691-695. (ISSN 0028-7199)
- (12) 1991c. P. Goloboff. Random data, homoplasy, and information. **Cladistics** 7:395-406. (ISSN 0748-3007)
- (11) 1991b. P. Goloboff. A new species of *Calathotarsus* (Araneae: Migidae) from Chile. **Journal of the New York Entomological Society** 99:267-273 (ISSN 0028-7199)
- (10) 1991a. P. Goloboff. Homoplasy and the choice among cladograms. **Cladistics** 7:215-232. (ISSN 0748-3007)
- (9) 1990. Coyle, F., P. Goloboff, & R. Samson. *Actinopus* trapdoor spiders (Araneae, Actinopodidae) killed by the fungus, *Nomuraea atypicola* (Deuteromycotina). **Acta Zoologica Fennica** 190:89-93. (ISSN: 0001-7299)
- (8) 1989b. P. Goloboff & A. R. Alsina. *Neocteniza australis* Goloboff (Araneae, Idiopidae) presa de *Aporus minusculus* (Bradley) (Hymenoptera, Pompilidae). **Revista de la Sociedad Entomológica Argentina** 45:196. (ISSN 0373-5680)
- (7) 1989a. P. Goloboff. Una nueva especie de Dipluridae (Araneae): *Chilehexops misionensis*. **Revista de la Sociedad Entomológica Argentina** 45:77-83. (ISSN 0373-5680)

- (6) 1988. P. Goloboff. *Xenonemesia*, un nuevo género de Nemesiidae (Araneae, Mygalomorphae). **Journal of Arachnology** 16:357-363. (ISSN 0160-8202)
- (5) 1987b. P. Goloboff. El género *Neocteniza* Pocock, 1895 (Araneae, Mygalomorphae, Idiopidae) en la Argentina y Paraguay. **Journal of Arachnology** 15:29-50. (ISSN 0160-8202)
- (4) 1987a. P. Goloboff & N. Platnick. A review of the Chilean Spiders of the superfamily Migoidea (Araneae, Mygalomorphae). **American Museum Novitates** No. 2888:1-15. (ISSN 0003-0082).
- (3) 1985. Platnick, N. & P. Goloboff. On the monophyly of the spider suborder Mesothelae (Arachnida: Araneae). **Journal of the New York Entomological Society** 93:1265-1270. (ISSN 0028-7199)
- (2) 1982b. P. Goloboff. Descripción de la hembra de *Achetopus paraguayensis* (Gerschman y Schiapelli, 940) (Araneae, Dipluridae). **Physis**, Sec. C, 41:103-105. (ISSN 0326-1441)
- (1) 1982a. P. Goloboff. Nota sobre algunas Ctenizidae (Araneae) de la Argentina. **Physis**, Sec. C, 40:75-79. (ISSN 0326-1441)

En revisión:

Goloboff, P., y De Laet, J. 2023. Farewell to the need for character independence: phylogenetic methods to incorporate different types of dependence between characters. Enviado a *Cladistics*.

Libros:

- (2) Goloboff, P. 2022. *Phylogenetic Analysis of Morphological Data. Vol. 1 From Observations to Optimal Phylogenetic Trees*. CRC Press, Taylor and Francis Group, Species and Systematics Series, ISBN 9781032114859, 297 pp.
- (1) Goloboff, P. 2022. *Phylogenetic Analysis of Morphological Data. Vol. 2 Refining Phylogenetic Analyses*. CRC Press, Taylor and Francis Group, Species and Systematics Series, ISBN 9780367420277, 316 pp.

Capítulos de libros:

- (7) Catalano, S., & P. Goloboff. 2017. Landmarks y parsimonia: principios básicos. En *Morfología de Vertebrados: hacia una integración de conceptos, metodologías y grupos de investigación del país*. Editores; Vasallo A, A Manzano, V Abdala. EUDEM. Mar del Plata. Argentina. ISBN 978-987-1921-87-4.
- (6) Grismado, C., & P. Goloboff. 2013. Mecicobothriidae, Hexathelidae, Dipluridae. En *Biodiversidad de Artrópodos Argentinos*, Eds. Sergio Roig-Juñent, Lucia E. Claps y Juan J. Morrone. Sociedad Entomológica Argentina pp. 95–101.
- (5) Grismado, C., & P. Goloboff. 2013. Rastelloidina. En *Biodiversidad de Artrópodos Argentinos*, Eds. Sergio Roig-Juñent, Lucia E. Claps y Juan J. Morrone. Sociedad Entomológica Argentina pp. 103–110.
- (4) Grismado, C., & P. Goloboff. 2013. Nemesiidae, Microstigmatidae. En *Biodiversidad de Artrópodos Argentinos*, Eds. Sergio Roig-Juñent, Lucia E. Claps y Juan J. Morrone. Sociedad Entomológica Argentina pp. 111–117.
- (3) Goloboff, P., & D. Pol. 2004. Parsimony and bayesian phylogenetics. En: *Parsimony, phylogeny, and genomics* (Victor Albert, ed.). Oxford University Press, pp. 148-159.

- (2) Goloboff, P. 2000a. Techniques for analysis of large data sets. En: Techniques in Molecular Systematics and Evolution. Editores: R. De Salle, W. Wheeler, and G. Giribet. Birkhauser Verlag, Basel, pp. 70-79.
- (1) Goloboff, P. 1999b. Arañas colectadas en la reserva de Tariquía. En: Relevamiento de la Biodiversidad de la Reserva Nacional de Flora y Fauna Tariquía (Tarija, Bolivia), ISBN 950-668-004-3, pp. 69-70. Editores: Juan A. González, G. J. Scrocchi, y E. O. Lavilla. Fundación Miguel Lillo, Tucumán, 1999.

Software para analisis filogenético o biogeográfico (excepto el de 1991, todos disponibles gratuitamente en <http://www.lillo.org.ar/phylogeny>)

- (11) Goloboff, P. 2013. Oblong, parsimony analysis with minimum RAM requirements.
- (10) Goloboff, P., & S. Catalano. 2011. GB-to-TNT: from GenBank to TNT.
- (9) Goloboff, P., J. S. Farris, y K. Nixon. 2003c. TNT: Tree Analysis Using New Technology
- (8) Goloboff, P. 2001. NDM-VNDM: Programs for identification of areas of endemism.
- (7) Goloboff, P. 1998c. EST and WEST: consensus estimators.
- (6) Goloboff, P. 1997g. SL: Self-Weighted Optimization.
- (5) Goloboff, P. 1996e. S.P.A.: Sankoff Parsimony Analysis.
- (4) Goloboff, P. 1996f. P.H.A.S.T.: Phylogenetic Analysis for Sankovian Transformations.
- (2) Goloboff, P. 1993e. NONA, a program for parsimony analysis.
- (3) Goloboff, P. 1993d. PIWE-XPIWE: Parsimony and Implied Weights.
- (1) Goloboff, P., & K. Nixon. 1991. TTS: Three-Taxon statements. Computer program and documentation, distributed by the authors, New York.

PUBLICACIONES DE INTERES GENERAL O DIVULGACION

- (6) Goloboff, P. 2004. Aspectos teóricos de la clasificación biológica. En: Sistemática y Filogenia de los Vertebrados, con énfasis en la fauna argentina (R. Montero y A. Autino, eds.), ISBN-950-554-388-3, pp. 11-17. Universidad Nacional de Tucumán, San Miguel de Tucumán.
- (5) Goloboff, P., & C. Szumik. 1999. ¿Sistemática o filatelia? Bol. Asoc. Argentina Ecol. 8(2):40-41.
- (4) Goloboff, P. 1998. Principios básicos de Cladística. Soc. Argent. Botánica, Buenos Aires, 81 pp. ISBN 978-987-97012-0-1.
- (3) Goloboff, P. 1985. Las Arañas II, Fauna Argentina 83:33-64, Centro Editor de América Latina, Bs. Aires, 1985.
- (2) Goloboff, P. 1985. Las Arañas I, Fauna Argentina 82:1-32, Centro Editor de América Latina, Bs. Aires, 1985.
- (1) Goloboff, P. 1987. Guía para géneros de Arañas Mygalomorphae de la Argentina. El Naturalista, 2(4):1-9.

PRESENTACIONES EN CONGRESOS Y REUNIONES CIENTIFICAS en 20 países: Argentina, Alemania, Australia, Belgica, Brasil, China, Canada, Dinamarca, España, Francia, Finlandia, Holanda, Italia, Mexico, Noruega,

Singapore, South Africa, Uruguay, USA, Venezuela

! indica conferencia invitada, * indica quién presentó el trabajo para múltiples autores

Internacionales:

- (50!) Goloboff, P. and Morales, M. *A graphical user interface (GUI) for TNT, under MacOS and Linux*. XXXIX International Meeting of the Willi Hennig Society, 24–28 de Julio 2022, University of Helsinki, **Finlandia**.
- (49) Goloboff, P. *Multidimensional scaling or comparison with appropriate trees?* XXXIX International Meeting of the Willi Hennig Society, 24–28 de Julio 2022, University of Helsinki, **Finlandia**.
- (48) *Goloboff, P., y P. Sereno. *Comparative Cladistics: identifying causes for differences in results for alternative morphological datasets*. En XXXVIII International Meeting of the Willi Hennig Society, 16–31 Mayo 2019, Berkeley, California, **U.S.A.**
- (47) *Goloboff, P., y J. S. Arias. *Likelihood approximations of implied weights parsimony can be selected over the Mk model by the Akaike information criterion*. En XXXVIII International Meeting of the Willi Hennig Society, 16–31 Mayo 2019, Berkeley, California, **U.S.A.**
- (46) *Goloboff, P., M- Pittman, D. Pol, X. Xu. *Morphological Datasets Fit a Common Mechanism Much More Poorly than DNA Sequences and Call Into Question the Mk Model*. En XXXVII International Meeting of the Willi Hennig Society, 17–20 Sept. 2018 Barcelona, **España**.
- (45) *Goloboff, P., M. Pittman, D. Pol., X. Xu. *On the use of the Mk model for Bayesian analysis of morphological data*. En International Symposium on Archosaurian Phylogeny, 29 Marzo de 2018, Beijing, **China**.
- (44) *Goloboff, P., M. Pittman, D. Pol., X. Xu. *On the use of the Mk model for Bayesian analysis of morphological data*. En International Pennaraptoran Dinosaur Symposium, 31 Marzo–1 Abril 2018, **Hong Kong**.
- (43) *Goloboff, P., and M. Simmons. *Bias in tree searches, and its consequences for measuring group supports*. XXXIII International Meeting of the Willi Hennig Society, 6–10 Junio de 2014, Trento, **Italia**.
- (42) Szumik, C., A. Molina, J. Rajmil, R. Moyano, *P. Goloboff, & V. Pereyra. *New findings on the South American genus Agathemera (Phasmatodea)*. XXXIII International Meeting of the Willi Hennig Society, 6–10 Junio de 2014, Trento, **Italia**.
- (41) Goloboff, P. *Phylogenetic analysis using TNT (Tree analysis using New Technology)*. Assembly and Evolution of the Amazonian Biota and its environment –an integrated approach. 11–12 de Mayo de 2014, Manaus, Amazonas, **Brasil**.
- (40) Goloboff, P. *Oblong, a program to analyze phylogenomic data sets with millions of characters, requiring negligible amounts of RAM*. XXXII International Meeting of the Willi Hennig Society, Rostock, **Alemania**, 3–7 Agosto de 2013 (*presentado por S. Catalano, no pude asistir*)
- (39) *Szumik, C, J. Morrone, T. Escalante, H. Kreft, W. Jetz, P. Goloboff. *Areas of endemism: searching for spatial concordance of species, genera and families of mammals of the world*. XXXI International Meeting of the Willi Hennig Society, Riverside, California, **U.S.A.**, Junio de 2012.
- (38) Goloboff, P. *An efficient implementation of IterPCR*. XXXI International Meeting of the Willi Hennig Society, Riverside, California, **U.S.A.**, Junio de 2012.

- (37) Goloboff, P., y *Catalano, S. *GB-to-TNT: facilitating creation of matrices from GenBank and diagnosis of results in TNT*. XXXI International Meeting of the Willi Hennig Society, Riverside, California, **U.S.A.**, Junio de 2012.
- (36!) Goloboff, P. *Improvements to implied weighting*. En XXX International Meeting of the Willi Hennig Society, Sao Jose de Rio Preto, **Brasil**, 30 de Julio–2 de Agosto 2011.
- (35!) Goloboff, P. *Avances recientes en métodos de análisis filogenético por parsimonia*. En XXII Congreso Venezolano de Entomología, Carabobo, **Venezuela**, 11–14 de Julio 2011.
- (34) *Arias, S., Szumik, C., Goloboff, P. *Analysis of vicariant distributions: a method and software for using direct geographical information for historical biogeography*. En XXIX Annual Meeting of the Willi Hennig Society, **Hawaii, U.S.A.**, 22–26 de Mayo de 2010.
- (33) Goloboff, P. *Supermatrices and model-based phylogeny programs: a bad combination*. En XXIX Annual Meeting of the Willi Hennig Society, **Hawaii, U.S.A.**, 22–26 de Mayo de 2010.
- (32) Goloboff, P. *The Tree of Life: Fulfilling Darwin's dream*. En 150 years of Darwin: A South American Celebration, Punta del Este, **Uruguay**, 2–6 de Setiembre de 2009.
- (31) Goloboff, P. *Handling landmark data: a demo*. En XXVIII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, **Singapore**, 22–26 de Junio de 2009.
- (30) Goloboff, P. *Resampling in large data sets*. En XXVIII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, **Singapore**, 22–26 de Junio de 2009.
- (29) *Goloboff, P., y N. Giannini. *An optimization-based method to estimate and test character correlation for continuous characters*. En el XXV Annual Meeting of the Willi Hennig Society, Oaxaca, **México**, 14-17 Agosto 2006.
- (28!) Goloboff, P. *On divide-and-conquer strategies for parsimony analysis of large data sets*. Workshop on "The Problems of Phylogenetic Analysis of Large Datasets", en el Mathematical Biosciences Institute, de la Ohio State University, Columbus, **U.S.A.**, 1-2 Diciembre 2005.
- (27) Goloboff, P. *Weighting improves group support in morphological data sets*. XXIV Annual Meeting of the Willi Hennig Society, Fagerness, **Noruega**, 25-28 de Julio de 2005.
- (26!) Goloboff, P. *NDM-VNDM: Programs for identification of Areas of Endemism*. X Meeting of the Global Biodiversity Information Facility, Bruselas, **Bélgica**, 17-23 de Abril del 2005.
- (25) *Goloboff, P., C. Mattoni, S. Quinteros. *Continuous characters analyzed as such*. En simposio "Methodological advances in cladistics," realizado en el XXIII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, Paris, **Francia**, 18-23 de Julio de 2004.
- (24) De Laet, J., J. *Farris, P. Goloboff. *Treatment of multiple trees in resampling analyses*. XXIII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, Paris, **Francia**, 18-23 de Julio de 2004.
- (23!) Goloboff, P. *Analysis of large data sets*. Journées de la Societe Française de Systematique: Avenir et Pertinence des Methodes d'Analyse en Phylogenie Moleculaire. Paris, **Francia**, 3-5 de Noviembre de 2003.
- (22!) *Goloboff, P., and D. Pol. *Cases in which bayesian phylogenetic methods will be positively misleading*. En simposio "Competing Methods on Phylogenetics," realizado

en el XXII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, New York, U.S.A., 20-24 de Julio de 2003.

- (21) Goloboff, P. *Parsimony and different likelihood formulations*. XXI Annual Meeting of the Willi Hennig Society, Helsinki, **Finlandia**, 12-15 Agosto 2002.
- (20!) *Goloboff, P., W. Wheeler, and D. Pol. *Parallelizing TNT*. En el Simposio de "High Power Computing", del XXI Annual Meeting of the Willi Hennig Society, Helsinki, **Finlandia**, 12-15 Agosto 2002.
- (19) *Goloboff, P., and C. Szumik. *Improving methods to identify areas of endemism*. XXI Annual Meeting of the Willi Hennig Society, Helsinki, **Finlandia**, 12-15 Agosto 2002.
- (18!) Goloboff, P. *Medición de apoyo de grupos*. Primer Congreso de Estudiantes de Postgrado del Instituto de Ecología, A.C., Xalapa, Veracruz, **México**, 6-8 de Myo de 2002.
- (17!) Goloboff, P. *Searches in parsimony programs*. Fifth Meeting of the Nordic Phylogenetic Systematics Network, Lammi, **Finlandia**, 31 de Agosto al 3 de Setiembre del 2000.
- (16!) Goloboff, P. *Measures of group support*. Fifth Meeting of the Nordic Phylogenetic Systematics Network, Lammi, **Finlandia**, 31 de Agosto al 3 de Setiembre del 2000.
- (15) *Goloboff, P., J. Farris, y K. Nixon. *Analyzing large data sets in reasonable times*. Presentado en el XVIII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, Gottingen, **Alemania**, 12-17 de Setiembre de 1999.
- (14!) *Goloboff, P. y *J. Carpenter. *Character weighting in phylogenetic analysis*. Presentado en el Symposium on "Character Weighting," del XVII Annual Meeting of Willi Hennig Society, Sao Paulo, **Brasil**, 21-25 de Setiembre de 1998.
- (13) *Goloboff, P. y J. Farris. *Methods for quick consensus estimation*. Presentado en el XVII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, Sao Paulo, **Brasil**, 21-25 de Setiembre de 1998.
- (12) *Nixon, K., J. Davis, P. Goloboff. *Search strategies for large data sets; an example using rbcL*. Presentado en el 1998 Meeting of the Botanical Society of America, 2-6 de Agosto de 1998, Baltimore, **U.S.A.**
- (11!) Goloboff, P. y J. S. Farris. *Methods for quick consensus estimation*. Presentado en "One-Day Symposium on Numerical Cladistics," New York, **U.S.A.**, 22 de Mayo de 1998 (presentado por Inés Horovitz, ya que no pude asistir por el nacimiento inminente de mi hija menor, Victoria, el 27 de Mayo).
- (10!) *Farris, J., M. Källersjö, P. Goloboff, y B. Oxelmann. *Improving on the bootstrapp*. Presentado en "One-Day Symposium on Numerical Cladistics," New York, **U.S.A.**, 22 de Mayo de 1998.
- (9) Goloboff, P. *La familia Gallieniellidae (Araneae, Gnaphosoidea) en America*. Presentado en el Primer Encuentro de Aracnólogos del Cono Sur, Montevideo, **Uruguay**, 1-5 de Diciembre de 1997.
- (8) Goloboff, P. *Self-weighted optimization: character state reconstructions and tree searches under implied transformation costs*. Presentado en el XV International Meeting of the Willi Hennig Society, Capetown, **South Africa**, 15-20 de Diciembre de 1996.
- (7!) Goloboff, P. *Sistemática de Arañas*. Conferencia dictada en mesa redonda sobre el tema "Aracnología," en el XXI Congresso Brasileiro de Zoologia, Porto Alegre, **Brasil**, Febrero 1996.
- (6) *Carpenter, J., y P. Goloboff. *Statistical tests of tree topology and the phylogenetic placement of Onychophora*. Presentado en el Simposio de "Phylogeny of the Invertebrates",

del XIII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, Copenhague, **Dinamarca**, 23-26 de Agosto de 1994.

- (5) Goloboff, P. *Simultaneous estimation of weights and trees*. Contributed paper en el XI Annual Meeting of the Willi Hennig Society, París, **Francia**, 24-28 de Agosto de 1992.
- (4) Goloboff, P. *Systematics of Neotropical Nemesiidae (Araneae, Mygalomorphae)*. Presentado en el 1991 Annual Meeting de la American Arachnological Society, Oxford Campus, Mississippi, **U.S.A.**, Junio de 1991.
- (3!) Goloboff, P. *Null Hypotheses in Tests for Informativeness*. Presentado en el Simposio de "Null Models and Randomization in Phylogenetic Analysis", del X Annual Meeting de la Willi Hennig Society, Toronto, **Canada**, 16-19 de Agosto de 1991.
- (2) Goloboff, P. *Uninformativeness and Homoplasy in Cladistic Data*. Presentado en el Simposio de "Parsimony Analysis and Character Weighting", del IX Annual Meeting de la Willi Hennig Society, Canberra, **Australia**, 23-27 de Agosto de 1990.
- (1) *Coyle, F., P. Goloboff, and R. Samson. *Actinopus trapdoor spiders (Araneae, Actinopodidae) killed by the fungus, Nomuraea atypicola (Deuteromycotina)*. Presentado (por el Dr. F. Coyle) en el XI International Congress of Arachnology, Turku, **Finlandia**, Agosto de 1989.

En Workshops de Programas de Computadora

- (8!) Goloboff, P. Demonstration of TNT (ver. 1.0): Tree Analysis Using New Technology. Journées de la Société Française de Systematique: Avenir et Pertinence des Methodes d'Analyse en Phylogenie Moleculaire. Paris, **Francia**, 3-5 de Noviembre de 2003.
- (7) Goloboff, P., J. Farris, y K. Nixon. Tree Analysis Using New Technology: T.N.T. (ver. 0.6), presentado en el XXII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, New York, **U.S.A.**, 20-24 de Julio de 2003.
- (6) Goloboff, P., J. Farris, y K. Nixon. Tree Analysis Using New Technology: T.N.T. (ver. 0.2), presentado en el XIX Annual Meeting of the Willi Hennig Society, Leiden, **Holanda**, 28 de Mayo al 2 de Junio de 2000.
- (5) Goloboff, P. Est (1.5.1) y West (1.5), presentados en el XVII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, Sao Paulo, **Brasil**, 21-25 de Setiembre de 1998.
- (4) Goloboff, P. Pee-Wee (ver. 2.5), NONA (ver. 1.5), SPA (ver. 1.1), PHAST (ver. 1.1), y SL (ver. 0.70), presentados en el XV Annual Meeting of the Willi Hennig Society, Capetown, **South Africa**, Diciembre de 1996.
- (3) Goloboff, P. Pee-Wee (ver. 2.1), y NONA (ver. 1.1), presentados en el XIII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, Copenhague, **Dinamarca**, Agosto de 1994.
- (2) Goloboff, P. Pee-Wee (ver. 1.95) y NONA (ver. 0.95), [*presentados por el Dr. James M. Carpenter*] en el XII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, Fullerton, California, **U.S.A.**, Agosto de 1993.
- (1) Goloboff, P. Pee-Wee (ver. 1.45), presentado en el XI Annual Meeting of the Willi Hennig Society, París, **Francia**, 24-28 de Agosto de 1992.

Congresos y Reuniones efectuadas en Argentina:

- (53!) Goloboff, P. *Hiperespacio de árboles: escalado multidimensional o comparación con árboles apropiados?* En XIV Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, 26-28 Octubre de 2023, Trelew, Chubut.

- (54) Goloboff, P., y Morales, M. *Presentación del nuevo TNT (versión Mac)*. En XIV Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, 26–28 Octubre de 2023, Trelew, Chubut.
- (52!) Goloboff, P. *Parsimonia y métodos basados en modelos: resumen quinquenal*. En XIII Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, 8–10 Abril 2019, San Miguel de Tucumán.
- (51) Goloboff, P., y P. Sereno. *Cladística Comparativa: identificando causas de diferencias en resultados para datasets morfológicos alternativos*. En XIII Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, 8–10 Abril 2019, San Miguel de Tucumán.
- (50) *Goloboff, P., J. Salvador Arias, C. Szumik. *Comparing tree-shapes: beyond symmetry*. XXXV International Meeting of the Willi Hennig Society, 4-8 Octubre 2016, Buenos Aires.
- (49) *Torres, A., Goloboff, P., Catalano, S. *Parsimony and model-based phylogenomic analyses: a comparison based on empirical datasets*. XXXV International Meeting of the Willi Hennig Society, 4-8 Octubre 2016, Buenos Aires.
- (48) *Ríos-Tamayo, D., Goloboff, P. *The genus Actinopus (Mygalomorphae: Actinopodidae) in Argentina: combined phylogeny*. XXXV International Meeting of the Willi Hennig Society, 4-8 Octubre 2016, Buenos Aires. (poster)
- (47) *Seiffe, A., Goloboff, P., Giannini, N. *Modifications to a phylogenetic comparative method of continuous characters*. XXXV International Meeting of the Willi Hennig Society, 4-8 Octubre 2016, Buenos Aires. (poster)
- (46) Garzón-Orduña, I., *Szumik, C., Goloboff, P., Brower, A.V. *Endemicity analysis of the tropical forests of South America based on butterflies*. XXXV International Meeting of the Willi Hennig Society, 4-8 Octubre 2016, Buenos Aires.
- (45) *Goloboff, P., J. Salvador Arias, A. Torres. *Model-based methods vs. Parsimony under equal and implied weights: simulations for morphologists*. XXXV International Meeting of the Willi Hennig Society, 4-8 Octubre 2016, Buenos Aires.
- (44) Szumik C., *Scrocchi G., Casagrande D., Arzamendia V., Baldo D., Claps L.E., Cuezco F., Díaz Gómez J.M., Di Giacomo A., Giraud A.R., Goloboff P., Gramajo C., Kopuchian C., Kretzschmar S., Lizarralde M., Molina A., Mollerach M., Navarro F., Nomdedeu S., Panizza A., Pereyra V.V., Sandoval M., Zuloaga F.O. & Aagesen L. *El Chaco no es uno solo*. XI Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, 26–28 de Marzo de 2014, Santa Fe.
- (43) *Goloboff, P., y M. Simmons. *Sesgo en búsquedas y sus consecuencias para medidas de apoyo de grupos*. XI Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, 26–28 de Marzo de 2014, Santa Fe.
- (42) Goloboff, P. *Generando matrices para las cuales es difícil encontrar árboles óptimos*. XI Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, 26–28 de Marzo de 2014, Santa Fe.
- (41) *Ríos Tamayo, D., y P. Goloboff. *Avances en la Filogenia del género Actinopus Perty, 1833 (Actinopodidae: Mygalomorphae) en la Argentina*. XI Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, 26–28 de Marzo de 2014, Santa Fe.
- (40) Goloboff, P. *Una implementación eficiente de IterPCR*. X Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, Mendoza, 29–31 de Mayo de 2012.

- (39) Goloboff, P. *Avances recientes en métodos de análisis filogenético por parsimonia*. XI Jornadas de Ciencias Naturales del Litoral y III Jornadas Argentinas de Ciencias Naturales, Córdoba, 15–18 de Mayo 2012.
- (38!) Goloboff, P. *Taxonomía y sistemática: su relación con la conservación de la biodiversidad*. En I Congreso Latinoamericano (IV Argentino) de Conservación de la Biodiversidad, San Miguel de Tucumán, Noviembre 2010.
- (37) Goloboff, P. *Algunas novedades en pesado de caracteres*. En IX Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, La Plata, 15-17 de Noviembre de 2010.
- (36) Goloboff, P. *Supermatrices y programas de filogenia basados en modelos: una mala combinación*. En IX Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, La Plata, 15-17 de Noviembre de 2010.
- (35) Goloboff, P. *Análisis filogenético de grandes matrices de datos*. En 1er Congreso Argentino de Bioinformática y Biología Computacional, Quilmes, 12–14 de Mayo de 2010.
- (34) Goloboff, P., *S. Catalano, *J. M. Mirande, C. Szumik, J. S. Arias, M. Källersjö, and J. S. Farris. *Re-defining "large"*. En Simposio sobre "Large Scale Analysis of Large Chunks of Life", del XXVII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, San Miguel de Tucumán, 28–31 de Octubre de 2008.
- (33) *Szumik, C., L. Aagesen, V. Arzamendia, D. Baldo, D. Casagrande, F. Cuezco, J. M. Díaz Gómez, A. Di Giacomo, N. Giannini, A. Giraud, P. Goloboff, C. Gramajo, C. Kopuchian, S. Kretschmar, M. Lizarralde, A. Molina, M. Mollerach, O. Morrone, F. Navarro, S. Nomdedeu, A. Panizza, M. Sandoval, G. Scrocchi, L. Taher, F. Zuloaga. *Areas of endemism in argentina: an analysis using 840 species of plants, mammals, reptiles, amphibians, birds, and insects*. En Simposio sobre "Latin American Biogeography in the 21st Century", del XXVII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, San Miguel de Tucumán, 28–31 de Octubre de 2008.
- (32) *Goloboff, P., J. M. Mirande, J. S. Arias. *On weighting characters differently in different parts of the cladogram*. En Simposio sobre "Methodology", del XXVII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, San Miguel de Tucumán, 28–31 de Octubre de 2008.
- (31) *Catalano, S., P. Goloboff, N. Giannini. *The optimization of landmark data: a three-dimensional approach*. XXVII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, San Miguel de Tucumán, 28–31 de Octubre de 2008.
- (30) *Giannini, N., P. Goloboff. *Resolving the correlation of a phylogenetic character and a non-evolving variable*. XXVII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, San Miguel de Tucumán, 28–31 de Octubre de 2008.
- (29) *Giannini, N., P. Goloboff, S. Catalano, M. Mirande, C. Szumik, J. S. Arias, M. Källersjö, and J. S. Farris. *A glimpse into the mammal branch of the "large" eukaryote tree*. XXVII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, San Miguel de Tucumán, 28–31 de Octubre de 2008.
- (28) Giannini, N., y P. *Goloboff. *Correlación filogenética de respuesta demorada: un método para determinar la covariación de caracteres continuos*. Presentado en el "Simposio sobre Problemas Metodológicos" de la VII Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, San Isidro, Buenos Aires, 14-16 de Noviembre de 2007.
- (27!) Goloboff, P. *Tratamiento de la ambigüedad en grandes matrices de datos*. Conferencia invitada en la VII Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, San Isidro, Buenos Aires, 14-16 de Noviembre de 2007.

- (26) *Goloboff, P. *Cladística cuantitativa: métodos computacionales para reconstruir relaciones evolutivas*. Presentado en la II Reunión Bienal Argentino-Checa, "E-Golems", Buenos Aires, 24-26 Septiembre 2007.
- (25) *Goloboff, P., y D. Pol. *Estrategias de "divide-and-conquer" para análisis de matrices con un gran número de taxones*. Presentado en el simposio sobre "Problemas Metodológicos" de la VI Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, Trelew, 27-29 Abril 2006.
- (24) Goloboff, P. *El pesado de caracteres mejora los resultados para data sets morfológicos*. Presentado en el simposio sobre "Problemas Metodológicos" de la VI Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, Trelew, 27-29 Abril 2006.
- (23!) Goloboff, P. *Supertrees*. Vta Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, Salta, 2-4 de Setiembre de 2004.
- (22) *Goloboff, P., C. Mattoni, S. Quinteros. *Caracteres continuos analizados como tales*. Vª Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, Salta, 2-4 de Setiembre de 2004.
- (21!) Goloboff, P. *Parsimonia, likelihood, y simplicidad*. IV Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, Córdoba, 5-7 de Marzo de 2003.
- (20) *Goloboff, P., y D. Pol. *Análisis filogenéticos Bayesianos*. IV Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, Córdoba, 5-7 de Marzo de 2003.
- (19!) Goloboff, P. *Métodos de reconstrucción filogenética: parsimonia vs. likelihood*. Primer Taller de Análisis Filogenético y Evolución Viral, Buenos Aires, 27-28 de Setiembre de 2002.
- (18!) Goloboff, P. *Medición de apoyo de grupos con métodos de remuestreo*. Primer Taller de Análisis Filogenético y Evolución Viral, Buenos Aires, 27-28 de Setiembre de 2002.
- (17!) Goloboff, P. *Supertrees*. Primer Taller de Análisis Filogenético y Evolución Viral, Buenos Aires, 27-28 de Setiembre de 2002.
- (16) Goloboff, P. *Las contribuciones de los aracnólogos a la cladística*. Conferencia en el 3r. Encuentro de Aracnólogos del Cono Sur, Córdoba, 26 de Febrero al 1 de Marzo de 2002.
- (15) Goloboff, P. *La evaluación de la calidad científica*. Simposio sobre "Política Científica, Calidad, y Futuro de la Herpetología," en el IV Congreso Argentino de Herpetología, Salta, 18-22 de Noviembre de 2001.
- (14) *Goloboff, P., y Diego Pol. *Superárboles estrictos*. III Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, Mendoza, 10-12 de Agosto 2001.
- (13) Bertelli, S., *N. Giannini, y P. Goloboff. *Filogenia de Tinamidae (Aves), basada en caracteres integumentarios*. III Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, Mendoza, 10-12 de Agosto 2001.
- (12!) Goloboff, P. *Filogenias y Ecología*. Primera Reunión Binacional Argentino-Chilena de Ecología, Bariloche, 23-27 de Abril del 2001.
- (11!) Goloboff, P. *Estrategias de Búsqueda*. Conferencia dictada en la II Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, Buenos Aires, 10-12 de Marzo de 1999.
- (10) Goloboff, P. *Medir el apoyo no es verso*. Presentado en el Simposio de "Problemas Metodológicos" de la II Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, Buenos Aires, 10-12 de Marzo de 1999.
- (9) *Goloboff, P., J. Farris, M. Kallersjo, y Bengt Oxelman. *Métodos de estimación rápida de consensos*. Presentado en la Primera Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, 19-21 de Noviembre de 1997, San Miguel de Tucumán.

- (8) Goloboff, P. *Parsimonia para matrices de pasos*. Presentado en la Primera Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía, 19-21 de Noviembre de 1997, San Miguel de Tucumán (poster).
- (7) *Goloboff, P. y M. J. Ramírez. *Primera cita de las familias Simphytognathidae y Mysmenidae (Araneae: Araneoidea) para la Argentina*. Presentado en la II Reunión Regional de Selvas de Montaña, San Lorenzo, Salta, 21-24 de Setiembre de 1995 (poster).
- (6) Goloboff, P. *Revisión Sistemática de las Nemesiidae (Araneae, Mygalomorphae) de Argentina, Chile, Perú y Uruguay*. Presentado en el III Congreso Argentino de Entomología, Mendoza, 2-7 de Abril de 1995, y en las II Jornadas Internas de la Facultad de Ciencias Naturales e Instituto Miguel Lillo, San Miguel de Tucumán, 26-29 de Abril de 1995 (poster).
- (5) Goloboff, P. *Búsqueda de Clasificaciones Optimas*. Presentado en las II Jornadas Internas de la Facultad de Ciencias Naturales e Instituto Miguel Lillo, San Miguel de Tucumán, 26-29 de Abril de 1995 (poster).
- (4) Galiano, M. E., y *P. A. Goloboff. *El desarrollo postembrionario de Actinopus sp. cf. insignis y Diplura paraguayensis (Araneae, Mygalomorphae)*. Presentado en las XI Jornadas Científicas de la Sociedad de Biología de Tucumán, San Pedro de Colalao (Tucumán), 6-8 de Octubre de 1994 (poster).
- (3) Goloboff, P. *Sistemática de Nemesiidae (Araneae, Mygalomorphae) de la Argentina*. Presentado en Expobeca '88, Buenos Aires, Nov. 1988 (poster).
- (2) Goloboff, P. *Sistemática de Dipluridae (Araneae, Mygalomorphae) de la Argentina*. Presentado en Expobeca '87, Buenos Aires, Nov. 1987 (poster).
- (1) Goloboff, P. *Una nueva especie de Dipluridae (Araneae): Chilehexops misionensis*. Presentado en el I Congreso Argentino de Entomología, Tucumán, Abril 19-25, 1987 (poster).

En “Meetings” virtuales (durante pandemia COVID):

- Goloboff, P. *Parsimony, explanatory power, and inapplicable characters*. En I International Symposium on Phylogenetic Systematics and Biogeography, 4 – 6 Nov. 2020, Universidade Federal do Paraná, **Brasil** (virtual).
- Goloboff, P., D. Ríos-Tamayo, y C. Szumik. *A compromise approximation to inapplicable characters*. En I Meeting of Systematics, Biogeography and Evolution, organizado por estudiantes de varios países latinoamericanos, 28–30 July 2020, **Planeta Tierra** (virtual).

ASISTENCIA A CONGRESOS (sin presentar trabajos)

1998. IV Congreso Argentino de Entomología, Mar del Plata, **Argentina**.
1997. XVI Annual Meeting of the Willi Hennig Society, Washington, **U.S.A.**
1990. Annual Meeting of the American Arachnological Society, Ottawa, **Canada**.
1989. VIII Annual Meeting of the Willi Hennig Society, Ithaca, New York, **U.S.A.**

EXPERIENCIA EN PROGRAMACION

Desde 1990, programación en lenguaje 'C' con producción de varios programas cladísticos para computadora. Dos de los programas más importantes son PIWE y NONA (con unas 15,000

líneas de código cada uno). Versiones gratuitas se encuentran en Internet: www.zmuc.dk/public/phylogeny). Otros programas son SPA, PHAST, SL, y NDM. La versión 1.0 del programa TNT (también en www.zmuc.dk/public/phylogeny) empezó a ser distribuida en Oct. 2003. Cuenta con unas 210,000 líneas de código; se han publicado tres *reviews* de TNT, en *Cladistics* (2004, review de P. Hovenkamp), *Systematic Entomology* (2004, review de R. Meier y F. Ali), y *Systematic Biology* (2005, review de Gonzalo Giribet). Desde finales de 2007, el programa fue subsidiado por la Willi Hennig Society y es de distribución libre y gratuita.

EXPERIENCIA DE CAMPO (Tiempo total: mas de 60 semanas)

En Argentina: Santa Cruz (2 semanas, 1980); Neuquén y Río Negro (2 semanas; 1982, 1986); Chubut (5 semanas; 1980, 1982, 1984); La Pampa (1 semana; 1983); San Juan y Mendoza (2 semanas, 1981); Buenos Aires y Entre Ríos (numerosos viajes cortos; 1980-1992); Córdoba (3 semanas; 1981; 1983; 1988; 1992); Catamarca (5 semanas; 1986; 1987); Salta, Jujuy, Tucumán y Santiago del Estero (12 semanas; 1981; 1983; 1985; 1988; 1992; 1994-1995); Misiones (7 semanas; 1981, 1983; 1985; 1988; 1992).

Fuera de Argentina: Chile (15 semanas; 1984; 1986; 1989; 1992); Brasil (1 semana; 1980); Perú (2 semanas; 1991); Bolivia (3 semanas; 1991, 1995); Nueva Caledonia (3 semanas; 1990).

Taxones dedicados (como reconocimiento al trabajo de colecta en campo y a mis contribuciones en sistemática de arañas y filogenia):

10 especies de arañas: *Actinopus goloboffi* Ríos-Tamayo (Actinopodidae, Argentina); *Almafuerte goloboffi* Grismado & Carrion (Gnaphosidae, Argentina); *Guaranita goloboffi* Huber (Pholcidae, Argentina); *Ischnothele goloboffi* Coyle (Dipluridae, Perú); *Meriola goloboffi* Platnick (Corinnidae, Argentina); *Opopaea goloboffi* (Oonopidae, Australia); *Otiotrops goloboffi* Grismado (Palpimanidae, Argentina); *Questocrypta goloboffi* Raven (Barychelidae, Nueva Caledonia); *Taintnops goloboffi* Platnick (Caponiidae, Chile); *Trichopelma goloboffi* Mori and Bertani (Barychelidae; Cuba)

1 especie de avispa: *Chilicola (Oroediscelis) goloboffi* Packer and Dumesil (Hymenoptera, Colletidae).

2 géneros de arañas: *Goloboffia* Griswold (especie tipo *Goloboffia vellardi*, Migidae, Chile), *Losdolobus* Platnick & Brescovit (especie tipo *Losdolobus parana*, Orsolobidae, Brasil, co-dedicada a Pablo Goloboff y Martín Ramírez, combinación de “*olobus*” –terminación de todos los géneros de la familia Orsolobidae– y “*los dos*” –Goloboff y Ramírez).

EXPERIENCIA CURATORIAL

Se ha trabajado con las siguientes colecciones aracnológicas: Argentina (Museo Argentino de Ciencias Naturales, 1977-1992; Museo de la Plata, 1986; Fundación e Instituto "Miguel Lillo," 1994); Chile (Museo Nacional de Historia Natural, Santiago, 1992); Perú (Museo de la Universidad de San Marcos, Lima, 1990); Bolivia (Universidad de Santa Cruz, Santa Cruz, 1990); Brasil (Museu Nacional de Rio de Janeiro, 1993, Museu de Zoologia da Universidade de Sao Paulo, 1993, Instituto Butantan, Sao Paulo, 1993, Museu de Ciencias Naturales, Fundação Zoobotânica de Porto Alegre, 1993, Pontificia Universidad Católica, Porto Alegre, 1993); Francia (Muséum National d'Histoire Naturelle, Paris, 1992); Inglaterra (British Museum of Natural History, 1994); Estados Unidos (American Museum of Natural History, New York, 1986, 1989-1993, Cornell University, Ithaca 1989-1991, Museum of Comparative Zoology, Harvard, 1991, Smithsonian Institution, Washington, 1991); Australia (Queensland Museum, Brisbane, 1990); Suecia (Naturhistoriska riksmuseet, Stockholm, 1994).

ACTUACION COMO DIRECTOR O CONSULTOR EN COMISIONES DE DOCTORADO O BECAS

Jurado de Tesis de Doctorado.— *Fernando Pérez-Miles* (Pedeciba, Uruguay, 1995); *Martín J. Ramírez* (Univ. de Buenos Aires, 1999), *Daniel R. Miranda Esquivel* (Univ. de La Plata, 1999); *Carlos Molineri* (Univ. Nac. de Tucumán, 2003); *Francisco Prevosti* (Univ. de La Plata, 2006); *Fabiana Gallardo* (Univ. de La Plata, 2006); *Paola Carrasco* (Univ. Nac. De Córdoba, 2011); *Carolina Cuezco* (Univ. Nac. de Tucumán, 2011).

Miembro de Comités de Tesis.— *Jonathan Liria* (Universidad Central de Venezuela, "Relaciones filogenéticas en *Psorophora* Robineau-Desvoidy (Diptera: Culicidae)", Master, 2002); *José A. Corronca* (Universidad Nac. de Tucumán, "Revisión de la familia Selenopidae para América del Sur", Doctorado, 1995); *Camilo I. Mattoni* (Universidad Nac. de Córdoba, "Patrones evolutivos en el género *Bothriurus* (Scorpiones, Bothriuridae): Un análisis filogenético", Doctorado, 2003); *José A. Ochoa Camera* (Universidad Nac. de Córdoba, "Sistematica y patrones de distribución de los escorpiones (Chelicerata) del corredor andino, en el Sur de Perú", Doctorado, 2003); *Sebastián Quinteros* (Universidad Nac. de Tucumán, "Filogenia Morfológica y Molecular del grupo *alticolor* (Iguania: Liolaemidae)", Doctorado, 2011); *M. Cecilia Domínguez* (Universidad Nac. de Córdoba, "Revisión sistemática del género *Fannia* en América del Sur Austral", Doctorado, 2005); *Martín de Bustos* (Universidad Tecnológica Nacional, "Implementación en un programa de computadora de la identificación de eventos de vicarianza", Licenciatura, 2003)

Tesis y Becas Doctorales, Dirigidas y Co-Dirigidas.— *Sara Bertelli* (becaria CONICET, "Filogenia de los géneros australes de Tinamidae", Tesis de Doctorado finalizada, Co-Director, 1998-2002); *Adriana Chalup* (becaria CIUNT, "Contribución al conocimiento de los Ennominae argentinos (Lepidoptera, Geometridae)", Tesis de Doctorado finalizada 2001, Univ. Nacional de Tucumán, Director, 1998-2001); *Guillermo Suárez* (becario CONICET, "Sistematica de *Pohlia* (Musci)", Tesis de Doctorado finalizada 2009, Univ. Nac. de Tucumán, Co-Director, 2004-2009); *Marcos Mirande* (becario CONICET, "Filogenia de Characidae (Pisces, Characiformes)", Tesis de Doctorado finalizada 2008, Univ. Nac. de Tucumán, Co-Director, 2004-2008); *Cecilia Kopuchian* (becaria CONICET, "Filogenia de Furnariidae (Aves)", Tesis de Doctorado finalizada 2008, Director, 2003-2008); *Joan Salvador Arias Becerra* (becario CONICET, Tesis de Doctorado finalizada 2015, Univ. Nac. de Tucumán, Director, 2008-2015); *Duniesky Ríos-Tamayo* (becario ANPCyT 2010-2012, becario CONICET 2012-2014, "Estudios de morfología comparada en un marco filogenético, en arañas del género *Actinopus* (Mygalomorphae, Actinopodidae)", Tesis de Doctorado finalizada 2015, Univ. Nac. de Tucumán, Director, 2010-2015); *Reyna Leticia Moyers Arevalo* (becaria CONICET, postgrado tipo I, "Análisis comparativo de evolución de historias de vida en mamíferos (Chiroptera y Rodentia)", Director, abandonada).

Dirección de Becarios Post-Doctorales.— *Diego Pol* (Mathematical Biosciences Institute fellowship, Ohio State University, Co-Dir., 2004-2005); *Leila Taher* (CONICET, Dir., 2006-2008); *Santiago Catalano* (CONICET, Dir., 2009-2010); *Duniesky Ríos-Tamayo* (CONICET, Dir., 2018-2019).

Dirección de Investigadores de CONICET.— *Marcos Mirande* (2008-2012); *Camilo Mattoni* (2007-2010); *Santiago Catalano* (2011-2014); *J. Salvador Arias* (2019, en curso) .

NOTAS EN MEDIOS

<https://www.conicet.gov.ar/un-arbol-lleno-de-aranas/> (abril 2017)

<https://www.lagaceta.com.ar/nota/730937/actualidad/tucumano-ideo-software-para-clasificar-biodiversidad.html> (mayo 2017)

<https://www.conicet.gov.ar/ordenar-y-clasificar-la-biodiversidad/> (mayo 2017)

<https://www.lagaceta.com.ar/nota/802771/actualidad/tucuman-cientificos-dan-vuelta-sistema-produccion-ciencia.html> (abril 2019)

<https://youtu.be/-NGDf2g0gEg?t=828> (Junio 2021)

<https://www.lagaceta.com.ar/nota/900485/me-gusta/aporte-tucumano-identificacion-hombre-dragon.html> (julio 2021)

<https://www.conicet.gov.ar/filogenesis-del-sars-cov-2-y-el-vih/> (junio 2021)

<https://www.infobae.com/america/ciencia-america/2021/07/02/quien-es-el-cientifico-que-a-partir-de-seguir-aranas-termino-haciendo-un-programa-que-rastrea-al-coronavirus-y-al-hombre-dragon/> (julio 2021)

<https://www.lillo.org.ar/phylogeny/tnt/personal/entrevista-Radio-Comahue-Jul-2021.mp3> (julio 2021)

<https://tn.com.ar/salud/noticias/2021/10/22/una-organizacion-cientifica-destaco-el-trabajo-de-715-investigadores-argentinos-entre-10000-de-america-latina/> (Oct. 2021)

<https://www.conicet.gov.ar/investigador-del-conicet-publica-un-libro-para-que-especialistas-de-diferentes-disciplinas-realicen-reconstrucciones-filogeneticas-optimas/> (noviembre 2022)

<https://noasur.conicet.gov.ar/cientifico-del-conicet-noa-sur-es-incorporado-a-la-academia-nacional-de-ciencias/> (Abril 2023)

https://www.ivoox.com/en/19-04-23-columna-8220-ciencia-soberania-8221-a-cargo-augusto-audios-mp3_rf_106657483_1.html (Abril 2023)

<https://www.lagaceta.com.ar/nota/988519/sociedad/incorporaron-al-cientifico-pablo-goloboff-academia-nacional-ciencias.html> (Abril 2023)

<https://www.lv12.com.ar/programa/tnt-un-programa-argentino-basado-la-teoria-la-evolucion-n138091> (Mayo 2023)

<https://www.lagaceta.com.ar/nota/990592/sociedad/pablo-goloboff-fue-elegido-entre-cientificos-mas-destacados-pais.html> (Mayo 2023)